

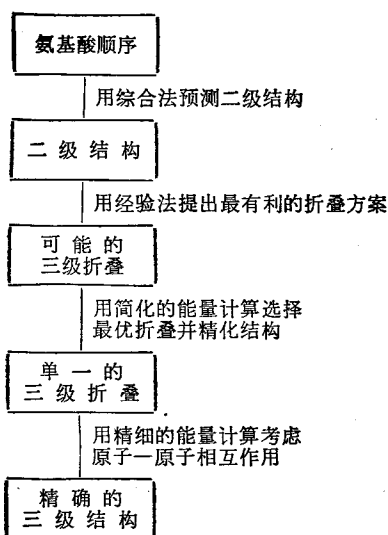


图7 从氨基酸顺序预测蛋白质三级结构的可能途径

尽管单一的预测方法还会发展和改进，但是，最有前途的还是各种可用方法的综合运用。图7示出了这类综合法的一个概貌，表明如何

从氨基酸顺序开始，通过二级结构的分析和三级结构的预测，逐步进到简化的、精细的能量计算，求得精确的天然结构。当然，离开一般地、完善地预测蛋白质的三维结构还有遥远的路程。但重要的是，第一步已经迈出。由蛋白质结构的复杂性引起的根本性障碍已被冲破，许多理论的和实验的研究者正满怀希望进行活跃的探索。有人认为，蛋白质的结构预测比地震预测的难度更大，前途未可乐观。但试回想一下，25年前，利用核酸和蛋白质有限的结构化学知识成功预测了DNA的双螺旋结构和蛋白质的 α 螺旋与 β 折迭结构，为分子生物奠定了一块基石，那么就完全有理由相信，在未来的25年里，运用今后积累起来的蛋白质三维结构知识，从氨基酸顺序预测蛋白质结构取得突破性进展是完全可能的。

科技消息

最近一次西德细胞生物学会会议上，美国Yale的科学家报道，他们将外源病毒DNA注射到小鼠胚胎，从而改变了小鼠的遗传性。新受精的鼠卵接受病毒基因，并且永久地渗入到遗传物质中，因而渗入的病毒基因，在胚胎发育过程中同样可以控制蛋白质合成。科

学家预言，如果这个技术与“试管婴儿”——解决体外受精后着床技术结合起来，则解决人类遗传病将有可能实现。

摘自 New. Sci. 87, (1218), 80

基因库和“密密”库

“密密”(Meme) = Mimemes——模仿的单位——意指的单位“密密”可以从通过通讯过程复制它们自己从一个脑到另一个脑。“密密”信息同样是化学编码

的。最近纽约大学学院研究表明，似乎也与儿茶酸胺族有关，但作用过程完全不一样。

摘自 Sci. 80, 1 (6), '80

更正

应作者要求，作如下更正：

一、《核酸蛋白检测仪》(1980年，第4期)一文附录中滤色液的合成与配方工作，有王尔文同志参加，应在文中予以致谢。

二、《用离子交换树脂法制备药用弹性蛋白酶》(1980年，第5期)一文中“10公斤胰脏平均可得48.6克药用弹性蛋白酶”，应改为“4.86克”。