

17SrRNA, 26SrRNA 的核苷酸组成。17SrRNA, 26SrRNA 的 ϕ p 含量略高于 Hela 细胞中的相应的 rRNA^[8]。蓖麻蚕后丝腺体 5SrRNA 的全

表 1 蓖麻蚕后丝腺体 rRNA 核苷酸组成(%)*

	26S	17S	5S	
			实验值	实验值
Ap	22.8(~1145)	23.4(~468)	20.9(~25)	(25)
Cp	25.5(~1275)	23.5(~470)	27.0(~32)	(33)
Gp	31.1(~1555)	27.1(~542)	31.1(~36)	(34)
Up	19.0(~950)	24.1(~482)	21.0(25)	(26)
ϕ	1.5(~75)	1.9(~38)	无	无
NmNp	有	有	无	无
5' 末端	—	—	—	pGp
3' 末端	—	—	—	U _{OH}

* 从各组分的放射量计算。
括号内为可能的核苷酸数, 26S, 17S, 5S 的链长分别以 5000, 2000, 120 核苷酸计算。
— 表示未测。

结构已经测定^[9], 双向薄层层析测定的核苷酸组成与实际结构的组成大体相差不多。

双向薄层层析也可用于后标记组成分析^[10]。有些实验室采用更小的薄板(5 × 5 厘米)进行层析^[11]。这些都为双向薄层层析的应用开辟广阔的前途。

参 考 文 献

[1] 祁国荣等:《生物化学与生物物理进展》, 1980 年, 第 3 期, 第 26 页。
[2] Nishimura, S., *Prog. Nucleic Acid. Res. Mol. Biol.*, 12, 49, 1972.
[3] Garel, J. P. et al.: *Biochemistry*, 16, 3618, 1977.
[4] Sprague, K. U. et al.: *Cell*, 11, 561, 1977.
[5] 李文琴等:《生物化学与生物物理学报》(待发表)。
[6] 李文琴等:《生物化学与生物物理进展》, 1981 年, 第 4 期, 第 58 页。
[7] Hashimoto, S. et al.: *Biochemistry*, 14, 1956, 1957.
[8] Hughes, D. G. et al.: *FEBS Lett.*, 72, 304, 1976.
[9] 曹功杰等:《第四次全国生化会议摘要汇编》。
[10] Tanaka, Y. et al.: *Nucleic Acids Res.*, 8, 1259, 1980.
[11] Watanabe, K. et al.: *J. Biochem.*, 86, 893, 1979.

[本文于 1981 年 12 月 4 日收到]

学术动态

生物系统信息加工及生物信号、生物图象处理学术讨论会召开

中国生物物理学会生物信息论与生物控制论专业委员会和中国自动化学会生物控制论专业委员会联合召开的“生物系统信息加工及生物信号、生物图象处理学术讨论会”, 1982 年 4 月 1 日至 5 日在杭州举行。会议以综述报告和讨论为主, 讨论的重点是神经系统、视觉系统等的信息加工原理和机制, 以及生物信号、图象的处理方法。

参加本次讨论会的有 58 个单位、102 位代表。与会代表的专业不仅有生物学和医学, 还有农林、数学、物理学和计算机。会议共收到研究论文、综述报告 50 余篇。提交会议的研究论文, 其水平与深度较前均有所提高。其中, 有的论文是提交给国际学术会议的, 有的工作在实际应用中得到了良好结果, 有的工作在国内是初创性的和探索性的, 更可喜的是有些工作是不

同专业的专家共同合作的结果。

会议听取了 14 篇综述报告。报告人结合本人的工作, 介绍了国内外有关生物信息处理的研究进展。这些综述报告着重介绍了视觉系统信息加工的原理和脑的学习与记忆功能的研究进展, 生物医学图象处理、计算技术、光学信息加工技术在生物医学研究中的应用, 脑电的研究与分析, 泛系方法的应用等。

为了使相近课题的同行们有更多时间进行深入讨论, 加强了解, 会议分成“生物信号处理”、“生物图象和模式处理”以及“基础理论与系统辨识”三个专题组, 提出了 34 个专题报告, 开展了交流和热烈讨论。在自由讨论会上和会下, 代表们还进行了更深入的交流。

[王谷岩]