

的分子，就有两个来自蛋白质降解的非标记分子同时进入细胞内库。由于  $A_c/A_0$  表示转膜浓度梯度， $A_c = 1620 \text{dpm}/\text{nmol}$  就意味着从细胞外库进入两个比放射性为 2700 的分子，将有三个来自细胞内库比放射性为 900 的分子一道装在 tRNA 上。然后，按下列方程

$$R_d = R_{cm} - R_{mc} \quad (17)$$

$$R_s = R_{mo} + R_{mi} \quad (18)$$

$$R_i = R_{mc} + R_{mo} \quad (19)$$

$$R_o = R_{cm} - R_{mi} \quad (20)$$

计算蛋白质降解及氨基酸转移速率，分别为：

$$R_d = 100, R_{cm} = 150,$$

$$R_{mc} = 50, R_{mo} = 50,$$

$$R_{mi} = 75, R_i = 100,$$

$$R_o = 75 \text{ nmol Val/min/L100}.$$

**4. 间接法** 前已述及，用衰减曲线法测定总蛋白质降解速率会受到更新速率不均一的影响；实验证明，只要掺入时间限制在数小时内，那么，从掺入速率测定总蛋白质合成速率就不受此影响<sup>[8]</sup>。因此，可以从蛋白质合成与净增长之差间接估计降解速率常数：

$$Kd = K_s - K_g \quad (21)$$

式中， $K_g$  是蛋白质增长速率常数（增长速率被蛋白质质量除）。增长速率以蛋白质含量对时间作图求得。

### 小资料

## 透析袋处理

1. 把透析袋裁成适当长度(10~20cm)；
2. 于大量 2% NaHCO<sub>3</sub>, 1mM EDTA 溶液中煮沸十分钟；
3. 用蒸馏水把透析袋洗净；
4. 于蒸馏水中煮沸 10 分钟(或将透析袋放于充满水的容器中，高压灭菌 10 分钟)；
5. 冷却，5℃ 存放于水中。切记一定要浸于水中；
6. 使用之前，用蒸馏水洗净透析袋内外壁，拿透析袋应戴手套。

第一次肯定动物体内蛋白质更新就是以同位素示踪实验为根据的。目前，同位素示踪法仍然是研究组织蛋白质更新的主要方法。随着蛋白质更新速率测定技术的发展，人们对蛋白质更新的机理、意义和调控的理解，定会出现新的飞跃。

本文承王世真教授审阅，谨致谢意。

## 参 考 文 献

- [1] Doyle, D. et al.: *J. Biol. Chem.*, **244**, 5449, 1969.
- [2] Peters, T. Jr. et al.: *J. Biol. Chem.*, **247**, 3858, 1972.
- [3] Garlick, P. J. et al.: *Biochem. J.*, **136**, 935, 1973.
- [4] Scornik, O. A.: *J. Biol. Chem.*, **249**, 3876, 1974.
- [5] Mathews, R. W. et al.: *J. Biol. Chem.*, **248**, 1329, 1973.
- [6] Mathews, R. W. et al.: *Comp. Biochem. Physiol.*, **61B**, 479, 1978.
- [7] Swick, R. W. et al.: *J. Biol. Chem.*, **249**, 6836, 1974.
- [8] Garlick, P. J. et al.: *Biochem. J.*, **156**, 657, 1976.
- [9] Doyle, D. et al.: *Methods Cell Biol.*, **10**, 235, 1975.
- [10] Arias, I. M. et al.: *J. Biol. Chem.*, **244**, 3303, 1969.
- [11] Glass, R. D. et al.: *J. Biol. Chem.*, **247**, 5234, 1972.
- [12] Dice, J. F. et al.: In *Protein Turnover and Lysosome Function*, (ed by Segal, H. L. and Doyle, D. J.) p 105, Academic Press, New York, 1978.
- [13] Khairallah, E. A.: *ibid.*, p 89, 1978.

[本文于1983年9月19日收到]

## 分光光度法测定 DNA 或 RNA 含量

若样品纯度较高（即蛋白质、酚、琼脂糖或其他核酸的污染量不大），用紫外分光光度法即简便又准确。测定时，于 260 nm 与 280 nm 两个波长下读数。通过 260 nm 的读数可计算出样品中核酸的浓度，即 10.D.260 相当于 50 μg/ml 双链 DNA, 40 μg/ml 单链 RNA 或单链 DNA 及 20 μg/ml 寡核苷酸。通过 260、280 nm 读数的比值 (OD260/OD280) 可确定核酸溶液的纯度，纯 DNA 和 RNA 制剂此比值分别为 1.8 和 2.0。如果核酸样品中蛋白质或酚污染，此比值会显著下降，用分光光度法无法定量。

[*Molecular Cloning*, 1982. 吕俊宣, 美雷摘译]